宠物豚鼠隐孢子虫感染情况调查及其虫种鉴定

宋 丹,赵子方,齐 萌,张龙现*

(河南农业大学 牧医工程学院,河南 郑州 450002)

摘要:为了解宠物豚鼠隐孢子虫感染情况,用饱和蔗糖溶液漂浮法对郑州某宠物市场 55 份豚鼠粪便和免疫抑制后的 30 只豚鼠新鲜粪便样本进行检查。结果发现,隐孢子虫总感染率分别为12.7%和 80%,卵囊呈近圆形,卵囊大小为 5.3 μ m×4.7 μ m[(5.0~5.5) μ m×(4.4~4.9) μ m],卵囊指数为 1.11。基于 18S rRNA 基因位点,对调查中发现的 7 个隐孢子虫分离株进行 PCR 扩增,PCR-RFLP和测序结果显示,7 个分离株均为维瑞隐孢子虫。宠物豚鼠隐孢子虫感染较为普遍,感染虫种是维瑞隐孢子虫,且豚鼠在免疫抑制后,其隐孢子虫感染率显著增高。

关键词: 豚鼠; 隐孢子虫; 分离; 鉴定

中图分类号: S852.7 文献标志码: A 文章编号: 1004-3268(2012)11-0147-03

Survey on *Cryptosporidium* Infection and Identification of Species in Pet Guinea Pig

SONG Dan, ZHAO Zi-fang, QI Meng, ZHANG Long-xian*

(College of Animal Science and Veterinary Medicine, Henan Agricultural University, Zhengzhou 450002, China)

Abstract: In order to investigate the infection status of Cryptosporidium in pet guinea pig, a total of 55 samples from pet market in Zhengzhou and 30 fresh stool samples from immunosuppressive guinea pigs were examined by Sheather's sugar flotation method. The results showed that the Cryptosporidium infection rates were 12.7% and 80%, respectively. The oocysts were nearly circular, with size of 5.3 μ m \times 4.7 μ m and a length to width shape index of 1.11. PCR amplification of the 18S rRNA, PCR-RFLP and sequencing showed that all the seven isolates were Cryptosporidium wrairi, indicating that the infection of Cryptosporidium in guinea pig was common after immunosuppression, and the infection rate was significantly higher.

Key words: guinea pig; Cryptosporidium; isolation; identification

豚鼠又名荷兰猪、天竺鼠、葵鼠等,经过人工长期驯化,作为毛皮动物和实验动物,具有较高的经济价值,近年来,豚鼠作为宠物深受人们喜爱。隐孢子虫是一种重要的机会性致病人兽共患原虫,可感染包括人在内的 260 多种动物,导致免疫功能受损的人或动物发生渐进性致死性腹泻[1]。资料显示,多种宠物均可感染和传播人兽共患病,尤其是机会性感染原虫病[2]。公认的隐孢子虫有效种有 24 个,寄生于豚鼠的隐孢子虫主要是维瑞隐孢子虫(Cryptosporidium wrairi),也有报道称,

豚鼠感染隐孢子虫豚鼠基因型 Ⅱ(Cryptosporidium sp. guinea pig genotype Ⅱ),均可引起豚鼠腹泻和食欲减退[3-4]。有关豚鼠隐孢子虫感染情况的调查报告很少,Caryn等[4]曾报道,儿童饲养宠物豚鼠患隐孢子虫病几率增高,国内鲜有对宠物豚鼠隐孢子虫的报道。为此,进行了郑州市豚鼠隐孢子虫感染情况调查及其虫种鉴定,旨在了解宠物豚鼠隐孢子虫感染及携带传播情况,评价其人兽共患风险,为人兽共患寄生虫病防治提供参考依据。

收稿日期:2012-05-15

基金项目:河南省重大公益科研项目(81100912300)

作者简介:宋 丹(1986-),女,河北涿州人,在读硕士研究生,研究方向:隐孢子虫生物学特性。E-mail:sd56103498@163.com *通讯作者:张龙现(1965-),男,河南汝州人,教授,博士,博士生导师,主要从事人兽共患原虫生物学研究。

E-mail: zhanglx8999@ yahoo. com. cn

1 材料和方法

1.1 样品采集

2009 年 9 月-2010 年 6 月于郑州某市场 4 家宠物店采集 55 笼豚鼠的新鲜粪便(每笼 $10\sim25$ 只豚鼠,记为 1 份),每份粪便约 30 g,装入干净塑料袋,带回实验室,置 4 $^{\circ}$ 下保存,用于隐孢子虫的检测。

从市场随机购买 $31\sim90$ 日龄豚鼠共 30 只,单笼饲喂,将醋酸地塞米松片(浙江仙琚制药股份有限公司,0.75 mg)碾碎,经口灌服豚鼠,每只 0.5 mg/d,连续免疫抑制 5 d,自免疫抑制第 2 天起,每日取其新鲜粪便进行检查,连续检查 15 d。

1.2 检查方法

用饱和蔗糖溶液漂浮法检查粪便中隐孢子虫感染情况。

1.3 DNA 提取

收集隐孢子虫阳性粪便样本,采用美国 OME-GA Bio-Tek 生产的 Stool DNA Kit 试剂盒(型号为 D4015-02),按照其 DNA 提取流程进行操作。

1.4 PCR 扩增

基于 18S rRNA 基因位点对隐孢子虫 DNA 进行 PCR 扩增,其引物设计和反应程序参照 Jiang 等^[5]的报道,引物由上海生工生物工程技术服务有限公司合成。

1.5 PCR - RFLP 和测序

PCR-RFLP 分析参照梁楠等[6] 的方法,Ssp I 和 Vsp I 购自大连宝生物工程有限公司,PCR 产物测序由北京诺赛基因有限公司完成。

2 结果与分析

2.1 隐孢子虫形态结构特征

对分离到的隐孢子虫卵囊进行形态学鉴定。卵囊呈近圆形,测量 100 个卵囊,大小为 $5.3 \mu m \times 4.7 \mu m$ $(5.0 \sim 5.5) \mu m \times (4.4 \sim 4.9) \mu m$,卵囊指数为 1.11 $(1.10 \sim 1.12)$,饱和蔗糖溶液中呈淡蓝紫色,卵囊周围显黄绿色(图 1),初步鉴定为维瑞隐孢子虫(C, wrairi)。

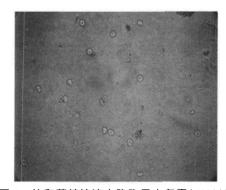


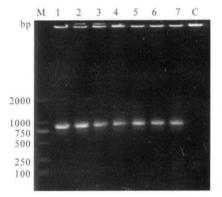
图 1 饱和蔗糖溶液中隐孢子虫卵囊(400×)

2.2 豚鼠隐孢子虫感染情况

对 55 份新鲜粪样进行检查,发现隐孢子虫阳性样本 7 份,感染率为 12.7%,其中 30 日龄以下、 $31\sim90$ 日龄、91 日龄以上豚鼠隐孢子虫感染率分别为 5.6%(1/18)、19.2%(5/26)和 9.1%(1/11)。对所购豚鼠进行免疫抑制,结果显示,免疫抑制后宠物豚鼠隐孢子虫阳性率高达 80%(24/30)。

2.3 18S rRNA 基因的 PCR 扩增结果

用巢式 PCR 成功扩增出 7 个隐孢子虫分离株的 18S rRNA 基因片段,目的片段大小为 $830 \sim 850$ bp,与预期结果相符(图 2)。



M. DNA 分子质量标准; 1-7. 隐孢子虫 PCR 扩增产物; C. 双蒸水对照

图 2 隐孢子虫阳性样品 18S rRNA 基因的 PCR 产物

2.4 PCR-RFLP 分析

扩增出的 PCR 产物经 Ssp I 和 Vsp I 酶切后显示(图 3、图 4),7 个隐孢子虫分离株均为 C. wrairi.

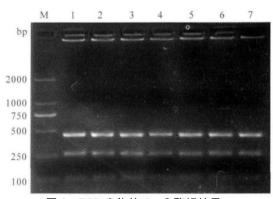


图 3 PCR产物的 Ssp I 酶切结果

2.5 序列分析结果

在 GenBank 上用 BLAST 搜索同源序列,利用 Clustal X1.83 和 DNAstar 5.0 等生物学软件对序 列进行比对和同源性分析,结果发现,7 个隐孢子虫 分离株和 C.wrairi 同源性为 100%,故将 7 个隐孢子虫分离株鉴定为 C.wrairi。

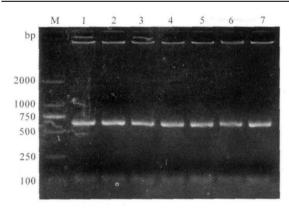


图 4 PCR产物的 Vsp I 酶切结果

3 讨论

国内外许多研究人员在隐孢子虫分类、生物学特性及免疫学等方面取得了较多的研究成果。流行病学调查、形态学观察不能将特征相似的虫种予以有效区分,而分子遗传学是研究不同物种进化种系发生关系的重要方法之一,广泛应用于隐孢子虫分类和鉴定。

寄生于豚鼠的隐孢子虫主要是维瑞隐孢子虫(C. wrairi),该虫种由 Vetterling 等[7]于 1971 年根据形态学观察和宿主特异性命名,感染的豚鼠一般无腹泻症状,严重者出现肠炎,以幼年豚鼠较易感染,并可导致腹泻。动物感染试验发现,C. wrairi不感染兔、鸡和火鸡,仅可感染豚鼠,表明该种具有明显的宿主适应性。Huber等[8] 收集 2 份巴西家养豚鼠隐孢子虫阳性粪便样品,基于 18S rRNA 基因进行 PCR 扩增和序列分析,发现该序列和已知隐孢子虫序列存在差异,将其命名为隐孢子虫豚鼠基因型 II。

本次调查发现,宠物豚鼠隐孢子虫感染率为 12.7%,以 $31\sim90$ 日龄豚鼠感染率较高,为 19.2%,免疫抑制后宠物豚鼠隐孢子虫阳性率高达 80%。本研究根据形态学特征观察和分子遗传学标记,对宠物豚鼠源隐孢子虫分离株进行鉴定,确定其

为 *C. wrairi*,为进一步开展隐孢子虫的病原生物学研究奠定了基础。有关豚鼠隐孢子虫的研究较少,目前发现 *C. wrairi* 具有严格的宿主特异性,其是否存在人兽共患风险,及豚鼠是否感染其他隐孢子虫种尚不清楚,有待于进行深入地调查和研究。

参考文献:

- [1] Fayer R. Taxonomy and species delimitation in *Cryptosporidium*[J]. Exp Parasitol, 2010, 124(1):90-97.
- [2] Rhertson I D, Irwin P J, Lymbery A J, et al. The role of companion animals in the emergence of parasitic zoonoses [J]. Int J Parasitol, 2000, 30(12/13): 1369-1377.
- [3] Lü C, Zhang L, Wang R, et al. Cryptosporidium spp. in wild, laboratory, and pet rodents in China: Prevalence and molecular characterization [J]. Appl Environ Microbiol, 2009, 75 (24): 7692–7699.
- [4] Caryn B, Ynes O, William C, et al. Epidemiologic differences between Cyclosporiasis and Cryptosporidiosis in Peruvian children[J]. Emerging Infectious Diseases, 2002, 8(6):581-585.
- [5] Jiang J, Alderisio K A, Xiao L. Distribution of *Crypto-sporidium* genotypes in storm event water samples from three watersheds in New York[J]. Appl Environ Microbiol, 2005, 71(8):4446-4454.
- [6] 梁楠, 菅复春, 李家诚, 等. 乳牛源隐孢子虫种类的 PCR-RFLP 和分子种系发育分析鉴定[J]. 中国兽医科学, 2009, 39(1): 22-28.
- [7] Vetterling J M, Jervis H R, Merrill T G, et al. Crypto-sporidium wrairi sp. n. from the guinea pig Cavia porcellus, with an emendation of the genus [J]. J Protozool, 1971, 18(2):243-247.
- [8] Huber F, da Silva S, Bomfim T C, et al. Genotypic characterization and phylogenetic analysis of Cryptosporidium sp. from domestic animals in Brazil[J]. Vet Parasitol, 2007, 150(1/2):65-74.